

P52

## Dificultades para trabajar con el proteoma de garrapatas

Marina Popara<sup>1</sup>, Margarita Villar<sup>1</sup>, Jose de la Fuente<sup>1</sup>

<sup>1</sup>IREC- Instituto de investigación en Recursos Cinegéticos (CSIC-UCLM-JCCM), Ciudad Real, España

[Marina.Popara@uclm.es](mailto:Marina.Popara@uclm.es)

El género *Amblyomma* es uno de los géneros de garrapata que más incidencia tiene como vector de diferentes patógenos tanto en animales como en humanos. Uno de los objetivos a largo plazo de nuestro grupo de investigación es desarrollar vacunas que permitan el control tanto de las garrapatas como de los patógenos que éstas transmiten. Como un primer paso en la búsqueda de antígenos potenciales se han llevado a cabo diversas aproximaciones proteómicas con el fin de caracterizar las proteínas altamente conservadas entre dos especies de *Amblyomma* de gran importancia (*A. cajennense* y *A. americanum*). Como *outgroup* para el estudio se utilizó el género *Rhipicephalus*. Sorprendentemente, las diferencias encontradas entre géneros no superaron las encontradas entre especies a pesar de que desde el punto de vista filogenético *Rhipicephalus* es muy distinto de *Amblyomma*. Estos resultados, probablemente debidos a la dinámica del proteoma, unidos al bajo número de especies de garrapatas secuenciadas, dificultan el estudio de los elementos comunes de un sistema y ponen de manifiesto la necesidad de profundizar en el desarrollo de herramientas que faciliten diferenciar los cambios producidos a nivel de proteoma inherentes a una especie concreta, de los derivados de las circunstancias específicas en las que dicho proteoma se expresa.