

ANÁLISIS DE HAPLOTIPOS DEL GEN *MC1R* EN POBLACIONES DE CERDO IBÉRICO

FERNÁNDEZ A., ÓVILO C., CASTELLANOS C., TORO M.A., RODRÍGUEZ M.C.

Departamento de Mejora Genética Animal. INIA. 28040 Madrid

Las diferencias en el color de la capa han sido utilizadas tradicionalmente para la caracterización de individuos, razas y especies. El principal sistema regulador conocido de síntesis de pigmentos es la interacción entre el receptor de melanocortina (*MC1R*) y las proteínas G y agouti. *Extension* y *Agouti* son los principales loci que regulan este proceso. El gen *MC1R* (*Extension*) ha sido analizado molecularmente (Kijas *et al*, 2001), detectándose seis alelos: *MC1R**1, alelo silvestre (jabalí europeo), *MC1R**2 (Meishan y Large Black), *MC1R**3 (Hampshire), *MC1R**4 (Duroc), *MC1R**5 (jabalí asiático), y *MC1R**6 (Landrace y Pietrain). En este trabajo, se ha analizado la secuencia completa del exón del gen *MC1R* en distintas poblaciones de cerdo Ibérico, genotipándose posteriormente poblaciones con color de capa negra, colorada, entrepelada y manchada de diversas ganaderías. Los resultados obtenidos permiten establecer la existencia de un nuevo haplotipo *MC1R**7, constituido por la combinación de los alelos *MC1R**1 y *MC1R**6, en poblaciones de capas colorada y entrepelada. Las poblaciones de capa negra presentan el alelo *MC1R**3 en homocigosis, mientras que en las poblaciones de capa colorada, manchada y entrepelada se observan los alelos *MC1R**6, *MC1R**7 y *MC1R**3, éste a muy baja frecuencia. En dos ganaderías se ha detectado la introgresión de alelos de razas foráneas.