

Título	INTERES DEL ESTUDIO DE MICOBACTERIAS ATIPICAS Y MEZCLAS DE MICOBACTERIAS		
Autores	PILAR RUIZ*, JUAN B. GUTIÉRREZ , MANUEL CAUSSE, JAVIER ZEROLO, MANUEL CASAL ROMAN		
Centro	Centro Referencia Micobacterias. Dpto. Microbiología. Facultad Medicina. H. Reina Sofía. Córdoba		
Resumen	<p>Las Micobacterias atípicas constituyen desde hace tiempo un capítulo importante en la patología infecciosa así como la mezcla de micobacterias. El desarrollo de modernos sistemas de diagnóstico microbiológico han permitido un mejor aislamiento e identificación de estas especies, algunas de difícil crecimiento en los medios sólidos convencionales y de difícil tipificación por los métodos bioquímicos clásicos. Los nuevos medios de cultivo líquidos, la tecnología genética de amplificación y secuenciación y los sistemas cromatográficos de estudios de ácidos micólicos, han contribuido de forma importante a un mejor diagnóstico de estas especies.</p> <p>OBJETIVO: Determinar la incidencia de micobacterias atípicas en nuestro medio así como detectar la presencia de mezclas de micobacterias en los cultivos recibidos en nuestro laboratorio.</p> <p>MATERIAL Y METODOS. Se han estudiado 852 cultivos recibidos en nuestro Laboratorio en los últimos años. Todos han sido identificados por métodos genéticos utilizando el sistema GENOTYPE CM/AS según protocolo. En los casos en que no se pudo identificar por este sistema, se recurre a métodos bioquímicos , cromatográficos y secuenciación. Los cultivos procedía tanto de medios líquidos como sólidos.</p> <p>RESULTADOS: De los 852 cultivos estudiados. Se identificaron como Micobacterias atípicas 188, así como 5 cultivos mixtos. Las cepas de Micobacterias fueron: <i>Mycobacterium avium</i> (34), <i>Mycobacterium intracellulare</i> (28), <i>Mycobacterium fortuitum</i> (27) <i>Mycobacterium chelonae</i> (24), <i>Mycobacterium gordonae</i> (22), <i>Mycobacterium Kansasii</i> (7), <i>Mycobacterium marinum</i> (5), <i>Mycobacterium szulgai</i> (5), <i>Mycobacterium abscesus</i> (5), <i>Mycobacterium lentiflavum</i> (4), <i>Mycobacterium peregrinum</i> (3), <i>Mycobacterium simiae</i> (3), <i>Mycobacterium scrofulaceum</i> (2), <i>Mycobacterium interjectum</i> (1), <i>Mycobacterium smegmatis</i> (1), <i>Mycobacterium xenopi</i> (1), <i>Mycobacterium celatum</i> (1),. / cepas no fueron identificadas con este sistema.</p> <p><i>En cuanto a las mezclas de Micobacterias: Mycobacterium tuberculosis + Mycobacterium kansasii</i> (1); <i>Mycobacterium tuberculosis + Mycobacterium avium</i> (1); <i>Mycobacterium tuberculosis + Mycobacterium intracellulare</i> (1); <i>Mycobacterium chelonae + Mycobacterium peregrinum</i> (1); <i>Mycobacterium chelonae + Mycobacterium intracellulare</i> (1) .</p> <p>CONCLUSION: Dados los aislamientos de Micobacterias atípicas, y la presencia de mezclas de micobacterias, es muy útil el GENOTYPE CM/AS como sistema de identificación de un gran número de estas micobacterias así como un método eficaz para poder detectar posibles mezclas , y aislar los cultivos.</p>		
Palabras Clave	Micobacterias atípicas. Genotype		

Nombre	PILAR RUIZ MARTINEZ		
Servicio	MICROBIOLOGIA	Hospital	FACULTAD DE MEDICINA. HOSPITAL REINA SOFIA
Dirección		
Teléfono	Fax	e-mail