

TÍTULO**ESTUDIO Y EVOLUCIÓN DE LOS GENOTIPOS DEL VHC EN CÓRDOBA EN UN PERIODO DE 5 AÑOS (2003-2007)****AUTORES**

M.C. GAMERO*, J.B. GUTIÉRREZ-AROCA, M. CASAL

CENTRO

Servicio Microbiología H. U. Reina Sofía, Córdoba.

INTRODUCCIÓN / OBJETIVOS: El virus de la hepatitis C es uno de los virus patógenos humanos que mayor variabilidad presenta, por su alta tasa de replicación viral y la poca estabilidad de su ARN polimerasa. Debido a esto existen genotipos y subtipos. Esta variabilidad genética tiene gran importancia en la gravedad de la infección y su posible evolución a carcinoma, así como en el tratamiento. En este estudio pretendemos estudiar la evolución de los genotipos del VHC detectados en los años 2003-2007 en Córdoba.

MATERIAL Y MÉTODOS: Para ello se han estudiado 2.125 muestras de sangre no coagulada procedentes del Servicio de Hepatología de nuestro hospital en los últimos 5 años. La determinación del genotipo viral se ha realizado mediante la técnica de hibridación reversa en tiras de nitrocelulosa con el sistema VERSANT HCV Genotype (Bayer®) utilizando un amplificado previamente obtenido mediante el sistema Amplicor (Roche®).

RESULTADOS: De los genotipos encontrados, el mayor porcentaje correspondió al 1 con una media del 70% en todos los años estudiados, el 1b en un 40% seguido por el 1a en un 37%; El 3a representó un 17%. También se detectaron los genotipos 5a y 6a que no son habituales en nuestro medio y combinaciones de varios genotipos, 1 y 4; 2 y 4a; 3a y 4c/4d; 4 a/4c/4d; 1 a y 1b.

CONCLUSIONES: Los genotipos encontrados son los esperados en nuestro medio si bien han aparecido algunos como el 5 y 6 que podríamos considerar exóticos. No se ha encontrado variación significativa en estos 5 años.

PALABRAS CLAVE: VIRUS HEPATITIS C, GENOTIPOS.