

## RELACIONES GENÉTICAS ENTRE POBLACIONES DEL GÉNERO CANIS BASADAS EN ADN MITOCONDRIAL

DAVID PARRA, JAVIER CAÑÓN Y SUSANA DUNNER

*Laboratorio de Genética Animal, Facultad de Veterinaria, 29040 Madrid*

La Federación Cinológica Internacional reconoce 330 razas, y en su grupo VII se encuadra el de los perros de muestra, con un total de 41 razas. En este estudio tratamos de analizar las relaciones genéticas utilizando información del ADNmit entre razas de perros de muestra continentales: braco (10 animales), drathaar (8 animales) y epagneul bretón (10), y sección de perros de muestra ingleses: setter inglés (10) y pointer (10).

Además se incluyen la raza Beagle (grupo VI, 10 animales) y pastor alemán (grupo I, 10 animales) y el lobo ibérico (*C. Lupus signatus*, 5 animales). De la molécula de ADN mitocondrial canina, formada por 16728 nucleótidos, utilizamos la región de control o D-loop que comprende una región de 1270 pb (15458-16728) aproximadamente.

Amplificamos y secuenciamos un fragmento de 377 pb, que corresponde al comprendido entre las posiciones 15745-16124. Encontramos 14 posiciones variables (2 de ellas exclusivas de *Canis lupus*) y 11 haplotipos, de los que 10 se encuentran en las razas de *Canis familiaris* analizadas y uno en *Canis lupus*. La frecuencia de los 10 haplotipos varió entre el 1,36% al 39,7%. Mediante el parámetro de Kimura-2 obtuvimos las matrices de distancias entre las poblaciones y calculamos la diversidad nucleotídica media dentro de poblaciones que fue de  $0,0021 \pm 0,0009$  y la diversidad media de las poblaciones de  $0,0104 \pm 0,0035$ .