

APLICACIÓN DEL ANÁLISIS DE SECUENCIAS DE DNA MITOCONDRIAL A LA CARACTERIZACIÓN DE ANTIGUAS ESTIRPES DE CERDO IBÉRICO

ÓVILLO C., ALVES E., RODRÍGUEZ C., SILLÓ L.

Departamento de Mejora Genética Animal, INIA, 28040 Madrid.

Los polimorfismos del ADN mitocondrial son útiles como marcadores para la caracterización de poblaciones y estudios evolutivos. La genealogía de la piara de cerdo Ibérico del Dehesón del Encinar permite identificar ocho linajes maternos, correspondientes a las cuatro estirpes fundadoras de la piara. Cinco linajes corresponden a la estirpe Campanario, de tipo Negro Lampiño de la Serena. Los otros tres a Puebla, Caldeira y Ervideira, de tipos Negro Lampiño del Guadiana, Retinto y Rubio, respectivamente. Se ha analizado la secuencia completa del D-loop y del citocromo B en ocho animales, uno de cada linaje maternal. Se han identificado nueve polimorfismos nucleotídicos sencillos (SNP) en el D-loop y cuatro en *CytB*, que definen seis haplotipos mitocondriales: tres en Campanario y uno específico de cada una de las restantes estirpes. La secuenciación de 15 animales de otras tantas ganaderías del Libro Genealógico permitió detectar cuatro de los haplotipos citados en siete de ellas. La coincidencia de haplotipos corresponde en algunos casos a una morfología similar (Negro Lampiño). Se han identificado cuatro nuevos SNP en D-loop y dos en *CytB*, que junto a los anteriores permiten establecer siete nuevos haplotipos, correspondientes en su mayoría a animales de tipo entrepelado, ajeno a la fundación de la piara experimental.